```
@ Programa 1ANAVA1matrix - Análise de Variância de 1 Critério

@ José Maurício Schneedorf Ferreira da Silva
@ Departamento de Bioquímica
@ Universidade Federal de Alfenas, UNIFAL-MG
@ email: jose.dasilva@unifal-mg.edu.br


« → mt
  « mt 'm' STO CLEAR m TRAN AXL DUP → kdat
    « EVAL DEPTH DUP 'k' STO → nk
      « kdat EVAL OBJ→ 'r' STO CLEAR m OBJ→ ΠLIST DUP 'n' STO
→LIST → ly
        « ly ΣLIST SQ n / → c
          « ly SQ ΣLIST c - → sqt
            « 0. 'ΣT2' STO kdat EVAL 1. nk
              FOR j ΣLIST SQ 'ΣT2' STO+
              NEXT ΣT2 r / c - → sqtr
              « sqt sqtr - → sqr
                « sqtr nk 1. - / → qmtr
                  « sqr n nk - / 'qmr' STO qmtr qmr / → f
                    « nk 1. - → glt
                      « n nk - DUP → glr
                        « 'gl' STO glt glr f UTPF → p
                          « sqtr 'sqtr' →TAG sqr 'sqr' →TAG sqt
'sqt' →TAG qmtr
'qmtr' →TAG qmr 'qmr' →TAG f 'F' →TAG p 'p' →TAG sqtr sqt / → r2
                            « r2 'r2' →TAG { ΣT2 } PURGE 2000. .4
BEEP
                            »
                          »
                        »
                      »
                    »
                  »
                »
              »
            »
          »
        »
      »
    »
  »
»
```